

P-A18

Modellering van de bestrijding van de floridamotrups in chrysant met baculovirus

F.J.J.A. Bianchi¹, W. van der Werf² en J.M. Vlak¹

¹Laboratorium voor Virologie, Wageningen Universiteit, Binnenhaven 11, 6709 PD Wageningen

²Gewas- en Onkruidecologie, Wageningen Universiteit, Haarweg 333, 6709 RZ Wageningen

Baculovirussen zijn van nature voorkomende virussen die de omvang van insectenpopulaties kunnen reguleren en worden daarom in een aantal gevallen als biologisch bestrijdingsmiddel in de land-, tuin- en bosbouw gebruikt. In Nederland worden deze virussen gebruikt in kassen voor de bestrijding van de rupsen van de floridamot, *Spodoptera exigua* (Spod-X) in onder meer in chrysant, gerbera en paprika. Voor de bestrijding van de rupsen van deze mot met baculovirussen in chrysant is een gedetailleerd simulatiemodel ontwikkeld (proefschrift F.J.J.Bianchi, 2001). Met dit model kan de bestrijding van de floridamot met baculovirus in chrysant nagebootst en geanalyseerd worden. Het model is gebaseerd op een gedetailleerde beschrijving van de ontwikkeling en het eetgedrag van het insect, de groei van het gewas, de baculovirus infectiecyclus en gegevens over de bespuiting. Het model is getest met onafhankelijke gegevens van kasproeven waarbij floridamotrupsen bestreden werden met twee virussen met een verschillende virulentie. De voorspelde doding en vraat van rupsen, die bestreden werden met deze virussen, kwamen in het algemeen goed overeen met metingen in de kas. Het model kan onder andere. gebruikt worden voor de bepaling van optimale bespuitingsregimes van baculovirusvirus voor de bestrijding van floridamotrupsen in chrysant alsmede voor het maken van risico-evaluaties bij introductie en gebruik van genetisch gemodificeerde baculovirussen.